

19 июля

- 9:30 - 10:00 **Регистрация участников**
- 10:00 - 10:10 **Открытие школы**
- 10:10 -12:00 **Illumina workshop**
Антон Цыганов-Бодунов, Illumina, Англия

- Data Analysis Overview
- Experimental design
- Introduction to Illumina Experiment Manager
- MiSeq Workflows
- Run folders and output files
- MiSeq Run Monitoring
- Intro to MSR & Workflow reports
- Intro to data analysis exercise (output files review and IGV demonstration)
- BaseSpace Exercise
- Variant Studio demonstration

- 12:00 – 13:00 **Обед**
- 13:00 – 16:30 **Продолжение семинара**
- 16:30 – 17:00 **Кофе-брейк**

20 июля

- **9:30 CLC Bio workshop**

Марта Матвиенко, CLC Bio, США

- Introductory presentation: products, applications, and recently released tools;
- Installation of Genomics Workbench, basics of data navigation;
- Hands-on (Data import, working in tracks, resequencing, de novo assembly);
- RNA-Seq.

- **11:00 – 11:30 Кофе-брэйк**

- **11:30 – 13:30 Продолжение семинара**

- **13:30 – 14:15 Эволюция методов определения**

нуклеотидных последовательностей: от 1кВ до генома

Игорь Морозов, ИХБФМ СО РАН, ЦКП "Геномика" СО РАН

- **14:15 – 15:00 Кофе-брэйк**

- **15:00 – 15:45 Простой способ собрать геном за полчаса**

Андрей Пржибельский, СПБАУ РАН, Санкт-Петербург

- **15:45 – 16:30 Применение новых секвенсных технологий на практике**

Алла Лапидус, ЦГБ СПбГУ, Санкт-Петербург

- **16:30 - 17:00 Экскурсия в ЦКП "Геномика" СО РАН**

21 июля

- 9:30 - 10:00 **Новые инструменты для создания геномных библиотек**
Денис Дмитриенко, Диаэм
- 10:00 – 10:45 **Аннотация и анализ эукариотических геномов**
Игорь Григорьев, DOE Joint Genome Institute, США
- 10:45 – 11:30 **Новые подходы к de novo секвенированию сложных геномов**
Константин Крутовский, Georg-August-University of Göttingen, Германия
- 11:30 – 12:15 **Планирование и получение новой информации по метагеномному проекту: заметки к анализу завершенных проектов**
Людмила Чистосердова, University of Washington, США
- 12:15 – 12:45 **Кофе-брэйк**
- 12:45 – 13:30 **16S профилирование - от почвы до кишечника**
Александр Тяхт, НИИ Физико-Химической Медицины ФМБА, Москва
- 13:30 - 14:15 **Применение технологии парных фрагментов при сборке бактериальных геномов**
Елена Кострюкова, Александр Манолов, НИИ Физико-Химической Медицины ФМБА, Москва
- 14:15 - 14:45 **Дискуссия, закрытие школы**