

Предварительная программа конференции
**"Постгеномные методы анализа в биологии, лабораторной и
клинической медицине: геномика, протеомика, биоинформатика"**
14 – 17 ноября 2011 г., Новосибирск
Дом ученых СО РАН

14 ноября Открытие конференции (Большой зал ДУ)

14:00 Начало регистрации (фойе малого зала ДУ)

15:00 Открытие конференции (большой зал ДУ)

15:15 Шуньков Михаил Васильевич «Палеолит Алтая и формирование человека
современного физического типа»

15:45 Габибов Александр Габибович ИБХ РАН «Использование протеомных
технологий в современной иммунологии»

16:15 Гельфанд Михаил Сергеевич ИППИ РАН «Альтернативный сплайсинг и
структура хроматина в свете современных данных высокопроизводительного
секвенирования»

16:45 Солдатов Алексей Валентинович «Next Generation Sequencing и биомедицина»

17:15 Пузырев Валерий Павлович «Геномный ландшафт медицинской генетики»

18:30 Фуршет

В программе указаны только авторы, делающие доклады

15 ноября

Секция I: Геномика и метагеномика			
Модераторы Говорун Вадим Маркович, Гельфанд Михаил Сергеевич			
1	9:00	Равин Николай Викторович Центр «Биоинженерия» РАН	Геномика и метагеномика экстремофильных микроорганизмов
2	9:20	Кострюкова Елена Сергеевна НИИ Физико-химической медицины	Российская инициатива «Метагеном кишечника человека»
3	9:40	Иванисенко Владимир Александрович ИЦиГ СО РАН	Метагеном озера "Кротовая ляга"
4	10:00	Андронов Евгений Евгеньевич НИИ с/х микробиологии РАСХН	Метатаксономия для метагеномики: проблема симплексов
5	10:20	Алексеев Дмитрий Глебович НИИ Физико-химической медицины	Системный анализ <i>Spiroplasma melliferum</i> для поиска факторов вирулентности и патогенности.
	10:40	Кофе брэйк	
6	11:00	Ильина Елена Николаевна НИИ Физико-химической медицины	Сравнительный анализ геномов <i>M. tuberculosis</i> и <i>N.gonorrhoeae</i> для выяснения молекулярных механизмов вирулентности.
7	11:20	Бреннер Евгений Владиславович ИХБФМ СО РАН	Секвенирование генома боррелий <i>Borrelia garinii</i> , переносимых таёжными клещами <i>Ixodes persulcatus</i> на территории России.
8	11:40	Графодатский Александр Сергеевич ИМКБ СО РАН	Сравнительная хромосомика и 10 тысяч геномов
9			

		Спонсорская сессия / Обед	
	12:00	Жерновков Вадим Евгеньевич Хеликон	Обзор новых методов для генетических исследований: геномное секвенирование, микрофлюидальные и гибридационные микрочипы. Практическое применение в науке и медицине.
	12:20	Дмитриенко Денис Владимирович ДиаэМ	Революционные технологии в гель- и хемидокументировании
	12:40	Егоров Николай Сергеевич ИнтерЛабСервис	Технологии полногеномного секвенирования Illumina - будущее персонализированной медицины
	13:00	Натальин Павел Life Technologies	Эволюция технологий секвенирования Life Technologies
		Модераторы Прохорчук Егор Борисович, Алексеев Дмитрий Глебович	
10	14:00	Киселев Сергей Львович Институт биологии гена РАН	Геномика репрограммирования соматических клеток
11	14:20	Прохорчук Егор Борисович Центр «Биоинженерия» РАН	Технологии NGS для эпигеномных исследований
12	14:40	Морозкин Евгений Сергеевич ИХБФМ СО РАН	Сравнительный анализ свободной апоптотической и геномной ДНК методом высокопроизводительного параллельного секвенирования
13	15:00	Меркулова Татьяна Ивановна ИЦиГ СО РАН	Выявление регуляторных SNP, ассоциированных с различными заболеваниями с использованием данных ChIP-seq.
14	15:20	Мордвинов Вячеслав Алексеевич ИЦиГ СО РАН	Микро-РНК печеночных сосальщиков <i>Opisthorchis felineus</i> , <i>Opisthorchis viverrini</i> и <i>Clonorchis sinensis</i>
15	15:40	Семенов Дмитрий Владимирович ИХБФМ СО РАН	Внеклеточные РНК плазмы крови здоровых доноров и пациентов с немелкоклеточным раком легкого. Анализ высокопроизводительным параллельным секвенированием на платформе SOLiD
16	16:00	Миронова Надежда Львовна ИХБФМ СО РАН	Поиск молекулярных мишеней РНКазы А путем секвенирования кДНК-библиотек миРНК на платформе SOLiD

17	16:20	Салина Елена Артемовна ИЦиГ СО РАН	Использование стратегии международного консорциума по секвенированию генома пшеницы для изучения хромосомы 5B
18	16:40	Пилипенко Александр Сергеевич ИЦиГ СО РАН	Применение методов палеогенетики для этногенетических реконструкций
19	17:00	Апчелимов Алексей Андреевич Спектроника	Геномное секвенирование 454: задачи и решения.
20	17:20	Грачева Мария Андреевна Roche	Roche/454 секвенирование для персонализированной медицины: инфекционные заболевания, HLA-типирование, онкология
21	17:40	Кнут Хамман Life Technologies	The Transformation of qPCR: An “all-in-one” real-time PCR system offering flexibility, scalability and high-throughput horsepower from 1 to 12,000 data points
	18:00	Постерная сессия (секция I) Кофе брэйк	

16 ноября

Секция II: Протеомика и иммунология			
Модераторы: Габиров Александр Габирович, Власов Валентин Викторович			
1	9:00	Сергиев Петр Владимирович МГУ им.М.В.Ломоносова	Антибиотики, останавливающие трансляцию: поиск новых и усовершенствование старых
2	9:20	Северинов Константин Викторович ИБГ РАН	CRISPR: обеспечение адаптивного иммунитета бактерий за счет малых некодирующих РНК
3	9:40	Демина Ирина Андреевна НИИ Физико-химической медицины	Сравнительная протеомика молликут
4	10:00	Пельтек Сергей Евгеньевич ИЦиГ СО РАН	Протеомный ответ бактериальной клетки на терагерцовое излучение
	10:40	Кофе брэйк	
5	11:00	Згода Виктор Гаврилович ИБМХ РАМН	Системный анализ клеточной линии лейкоза человека: транскриптомика, протеомика, метаболомика

6	11:20	Снытникова Ольга Александровна МТЦ СО РАН	Изменения в протеомном составе хрусталика в ходе развития катаракты
7	11:40	Мошкин Михаил Павлович. ИЦиГ СО РАН	Протеомный ответ легких мыши на действие таркосила
8	12:00	Фесенко Игорь Александрович Институт биоорганической химии РАН	Протеомика и пептидомика мха <i>Physcomitrella</i> patents
		Спонсорская сессия / Обед	
	12:20	Volker Kruff AB SCIEX	Hypothesis-driven, targeted and quantitative analysis in complex samples with confirmation: The needle in the haystack problem
	12:50	Gyula Csanádi Bio-Rad	ProteOn XPR36: delivery of kinetic data for biomolecular interaction research
		Модераторы: Згода В.Г., Николаев Е.Н.	
9	14:00	Коваль Владимир Васильевич ИХБФМ СО РАН	Масс-спектрометрический подход к поиску протеомных маркеров социально-значимых психических расстройств
10	14:20	Зиганшин Рустам Хусманович ИБМХ РАНН	Поиск пептидных биомаркеров социально-значимых заболеваний человека в сыворотке крови
11	14:40	Черноносков Александр Анатольевич ИХБФМ СО РАН	Применение метода MS/MS в терапии тромбозов и наследственных заболеваний
12	15:00	Николаев Евгений Николаевич ИНЭП ХФ РАН ИБФ РАН ИБМХ РАН РАНН	Новые возможности масс-спектрометрии сверхвысокого разрешения пептидов и белков
13	15:20	Чернобровкин Алексей ИБМХ РАНН	Комбинированный анализ данных MS и MS/MS для повышения эффективности идентификации белков
14	15:40	Копылов Артур Тигранович ИБМХ РАНН	Сочетание необратимого связывания белков и технологии MRM для детекции низко- и ультранизкокопийных белков.
15	16:00	Невинский Георгий Александрович ИХБФМ СО РАН	Многообразие интеграз-гидролизующих антител из крови ВИЧ-инфицированных больных

16	16:20	Тикунова Нина Викторовна ИХБФМ СО РАН	Особенности репертуара анти-цитокиновых аутоантител при рассеянном склерозе
17	16:40	Иванова Светлана Александровна НИИ психического здоровья СО РАМН	Нарушение протеинкиназной регуляции нейрональных глутаматных транспортеров при шизофрении
18	17:00	Volker Kruff AB SCIEX	Discovery going quantitative: qqTOF technology combining fast data acquisition with high resolution for quantitation in MS and MS/MS
	17:30	Постерная сессия (секции II и III) Кофе брэйк	
	19:30	Банкет	

17 ноября

Секция III: Биоинформатика

		<u>Модераторы:</u> Лисица Андрей Валерьевич, Воробьев Юрий Николаевич	
1	9:00	Свердлов Евгений Давидович ИБХ РАН	Подходы к генетической хирургии рака.
2	9:30	Лаврик Ольга Ивановна	Протеомика систем репарации ДНК человека
3	9:50	Орлов Юрий Львович ИЦиГ СО РАН	Регуляторные генные сети в раковых клетках: анализ с помощью технологий секвенирования ChIP-seq
4	10:10	Ощепков Дмитрий Юрьевич ИЦиГ СО РАН	Анализ данных массовой иммунопреципитации хроматина с помощью экспериментально верифицированных методов распознавания сайтов связывания транскрипционных факторов FoxA
	10:30	Лисица Андрей Валерьевич ИБМХ РАМН	Создание базы знаний по 18-й хромосоме человека с использованием геноцентричного принципа
4	10:50	Кофе брэйк	
5	11:10	Шишкин Сергей Сергеевич Институт биохимии РАН	База данных «Протеомика мышечных белков человека»
6	11:30	Ефремов Роман Гербертович ИБХ РАН	Молекулярное компьютерное моделирование в структурной протеомике: акцент на мембранные белки
7	11:50	Воробьев Юрий Николаевич ИХБФМ СО РАН	Method of molecular dynamics for proteins in the ionization-conformation phase space in water at constant pH

8	12:10	Фомин Эдуард Станиславович ИЦиГ СО РАН	Моделирование молекулярной динамики белков
9	12:30	Афонников Дмитрий Аркадьевич ИЦиГ СО РАН	Анализ механизмов адаптации протеома архей к высоким давлениям
	12:50	Тийс Евгений Сергеевич ИЦиГ СО РАН	Автоматическая реконструкция ассоциативных генных сетей на примере анализа протеома мочи
	13:10	Гунбин Константин Владимирович ИЦиГ СО РАН	Генетическая основа макроэволюционных преобразований - исследование режимов молекулярной эволюции ортологичных белков позвоночных и беспозвоночных
		Обед	
		Модераторы: Иванисенко Владимир Александрович, Орлов Юрий Львович	
10	15:00	Аксенович Татьяна Иосифовна ИЦиГ СО РАН	Полногеномное картирование генов, ассоциированных с глаукомой
11	15:20	Алексеев Максим Александрович University of South Carolina	SPAdes: новый ассемблер геномов с поддержкой одноклеточного секвенирования
12	15:40	Царев Федор Николаевич Санкт-Петербургский НИУ ИТМО	Метод сборки геномных последовательностей на основе совместного применения графов де Брюина и графов перекрытий
13	16:00	Курильщикова Александр Михайлович ИХБФМ СО РАН	De novo реконструкция бактериальных геномов при комбинации секвенирующих платформ 454 FLX и ABI SOLiD
14	16:20	Хабудаев Кирилл Владимирович Лимнологический институт СО РАН	Анализ ретротранспозонов генома пресноводной бесшовной диатомовой водоросли <i>Synedra acus</i>
15	16:40	Mitra Chanchal University of Hyderabad	miRNA and Transcription factors – the key route to personalized medicine?
16	17:00	Бабенко Владимир Николаевич ИЦиГ СО РАН	Исследование регуляции сплайсинга в нервных тканях
	17:20	Заккрытие конференции	